

สถานการณ์ สายพันธุ์เชื้อไวรัส SARS-CoV-2 ในประเทศไทย

ปัจจุบันองค์การอนามัยโลกให้ความสำคัญกับการติดตาม Omicron จำนวน 8 สายพันธุ์ จากพื้นฐานของข้อมูล การเพิ่มความชุกหรือความได้เปรียบด้านอัตราการเพิ่มขึ้นเมื่อเทียบกับสายพันธุ์อื่นๆ และการกลายพันธุ์ในตำแหน่งที่เกี่ยวข้องกับการได้เปรียบในการก่อโรค ได้แก่

- ▶ **สายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง** หรือ Variants of Interest (VOI) 2 สายพันธุ์ ได้แก่ BA.2.86* และ JN.1*
- ▶ **สายพันธุ์ที่ต้องจับตามอง** หรือ Variants under monitoring (VUM) 6 สายพันธุ์ ได้แก่ JN.1.7*, KP.2*, KP.3*, KP.3.1.1*, JN.1.18* และ LB.1*

สายพันธุ์ FLIRT : มีการกลายพันธุ์ของกรดอะมิโนที่โปรตีนส่วนหนามของเชื้อไวรัสโอมิครอนเดิม

2 ตำแหน่ง คือ

- ▶ ตำแหน่ง 456 จาก F (Phenylalanine) เปลี่ยนเป็น L (Leucine)
- ▶ ตำแหน่ง 346 จาก R (Arginine) เปลี่ยนเป็น T (Threonine)

สายพันธุ์ XEC เป็นสายพันธุ์ลูกผสมของ **KS.1.1** และ **KP.3.3**

- ▶ มีการกลายพันธุ์บนโปรตีนหนาม T22N, F59S, Q493E และ V1104L
- ▶ พบครั้งแรกเมื่อเดือนสิงหาคม 2567 ในประเทศเยอรมนี
- ▶ XEC มีความได้เปรียบในการเติบโตมากกว่า JN.1* 55% (อ้างอิง : CoV-spectrum ณ 30 กันยายน 2567)
- ▶ ระบาดมากในประเทศเยอรมนี ทวีปยุโรป อเมริกาเหนือ และเอเชีย **ยังไม่พบในประเทศไทย**

KP.3.1.1 (สายพันธุ์ย่อยของ KP.3) เป็นสายพันธุ์ FLIRT

- ▶ มีการกลายพันธุ์บนโปรตีนหนาม (Q493E)
- ▶ มีการขาดหายไปของกรดอะมิโนที่ตำแหน่งที่ 31 (S31)
- ▶ ระบาดมากในทวีปยุโรปและสหรัฐอเมริกา ประเทศไทยพบสายพันธุ์ KP.3.1.1* 5 ราย จากเขตสุขภาพที่ 11 และ 13

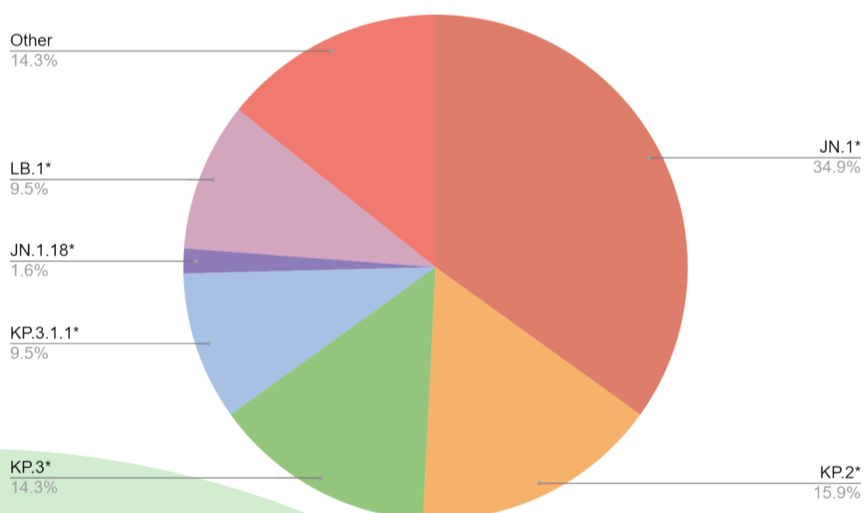
สถานการณ์ภาพรวมทั่วโลก

สัปดาห์ที่ 30-33 (22 กรกฎาคม ถึง 18 สิงหาคม 2567)

- ▶ JN.1* พบมากที่สุด 20.6% มีอัตราการพบที่ลดลง
- ▶ LB.1* พบสัดส่วนเพิ่มขึ้น 8.8%
- ▶ KP.3.1.1 (สายพันธุ์ย่อยของ KP.3*) พบสัดส่วนเพิ่มขึ้น 29.1%
- ▶ KP.3 (21.9%), KP.2 (13.7%) โดยมีแนวโน้มลดลง
- ▶ สายพันธุ์ Recombinant มีอัตราส่วนการพบเพิ่มขึ้นในสัดส่วน 2.2%

Table 5. Weekly prevalence of SARS-CoV-2 VOIs and VUMs, week 30 to week 33 of 2024

Lineage*	Countries§	Sequences§	2024-30	2024-31	2024-32	2024-33
VOIs						
BA.2.86	103	23936	0.3	0.1	0.3	0.1
JN.1	139	255450	22.2	22.0	21.0	20.6
VUMs						
JN.1.7	68	9322	0.3	0.2	0.3	0.1
KP.2	78	23377	15.1	15.0	14.8	13.7
KP.3	63	37684	27.7	26.4	23.9	21.9
KP.3.1.1	49	16551	21.2	24.4	27.8	29.1
JN.1.18	87	5737	2.2	2.1	2.8	2.7
LB.1	71	9918	8.8	8.1	7.6	8.8
Recombinant	143	488935	2.1	1.5	1.3	2.2
Unassigned	63	3897	0.1	0.1	0.2	0.7
Others	91	12321	0.1	0.1	0.1	0.1

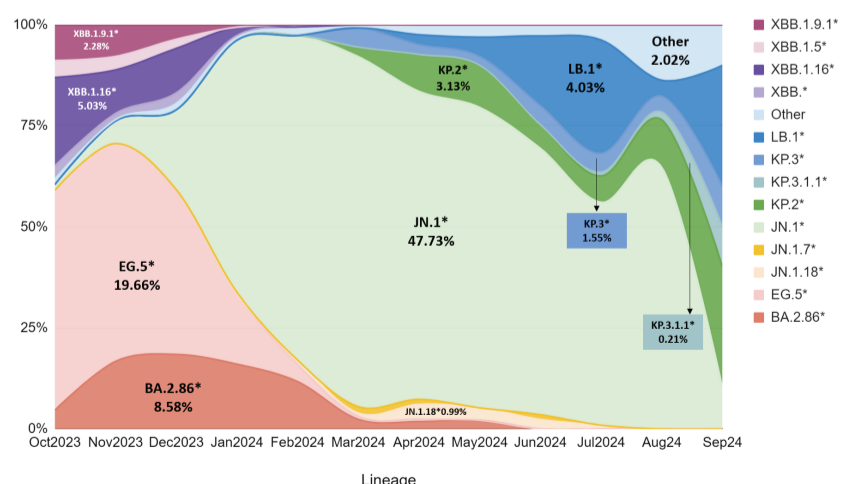


สถานการณ์สายพันธุ์โอมิครอนในประเทศไทย (รอบ 30 วัน)

26 สิงหาคม - 22 กันยายน 2567 จำนวน 63 ราย

- ▶ JN.1* พบสัดส่วนมากที่สุด 34.9%
- ▶ KP.2* (15.9%), KP.3* (14.3%), LB.1* (สายพันธุ์ย่อยของ JN.1.1.9*) และ KP.3.1.1* (สายพันธุ์ย่อยของ JN.1.11.1*) (9.5%)

▶ ในประเทศไทย JN.1* ยังคงเป็นสายพันธุ์หลักที่พบ จำนวน 1,112 ราย คิดเป็นสัดส่วนสะสม 47.73% ของสายพันธุ์ทั้งหมดที่พบในประเทศไทย นับตั้งแต่การพบครั้งแรกเมื่อเดือนตุลาคม 2566 ถึง ปัจจุบัน LB.1*, KP.2* และ KP.3.1.1 เริ่มพบในไทยเดือนกรกฎาคม 2567 ถึงปัจจุบัน สัดส่วนที่พบยังน้อยกว่า 10% (อ้างอิงฐานข้อมูล GISAID)



กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ร่วมมือกับเครือข่ายห้องปฏิบัติการเฝ้าระวังการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์อย่างต่อเนื่อง และเผยแพร่ผ่านฐานข้อมูลสากล GISAID อย่างสม่ำเสมอ ปัจจุบันไทยเผยแพร่จีโนมมีจำนวนสะสม 46,176 ราย นับตั้งแต่เริ่มสถานการณ์ระบาดโรคโควิด 19 ในประเทศไทย เดือนมกราคม 2563 ถึง 30 กันยายน 2567