

สถานการณ์ สายพันธุ์เชื้อไวรัส SARS-CoV-2 ในประเทศไทย

ปัจจุบันองค์การอนามัยโลกยังคงให้ความสำคัญกับการติดตาม Omicron จำนวน 9 สายพันธุ์ จากจากพื้นฐานของข้อมูล การเพิ่มความชุกหรือความได้เปรียบด้านอัตราการเพิ่มขึ้นเมื่อเทียบกับสายพันธุ์อื่นๆ และการกลายพันธุ์ในตำแหน่งที่เกี่ยวข้องกับการ ได้เปรียบในการก่อโรค ได้แก่

- ▶ **สายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง** หรือ Variants of Interest (VOI) 4 สายพันธุ์ ได้แก่ XBB.1.5*, XBB.1.16*, EG.5* และ BA.2.86*
- ▶ **สายพันธุ์ที่ต้องจับตามอง** หรือ Variants under monitoring (VUM) จำนวน 5 สายพันธุ์ ได้แก่ DV.7*, XBB*, XBB.1.9.1*, XBB.1.9.2* และ XBB.2.3*

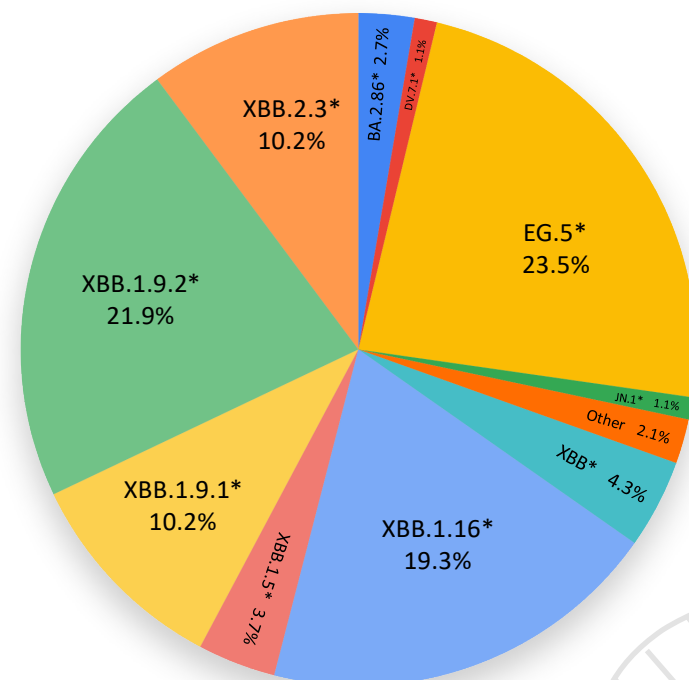
Table 6. Weekly prevalence of SARS-CoV-2 VOIs and VUMs, week 40 to week 44 of 2023

Lineage	Countries ⁵	Sequences ⁵	2023-40	2023-41	2023-42	2023-43	2023-44	
VOIs								
XBB.1.5*		128	308 614	8.5	8.2	8.3	7.2	8.3
XBB.1.16*		117	94 914	15.9	14.0	12.4	9.8	8.2
EG.5*		89	104 423	47.0	50.2	50.9	51.9	51.6
BA.2.86*		41	3 109	1.8	2.8	4.1	6.4	8.9
VUMs								
DV.7*		38	3 887	1.8	1.8	1.7	1.9	1.9
XBB*		142	88 309	3.4	2.9	2.7	2.8	2.3
XBB.1.9.1*		118	80 383	9.5	8.0	8.0	7.0	6.4
XBB.1.9.2*		95	36 685	2.4	2.3	1.8	2.1	1.9
XBB.2.3*		104	31 394	6.0	5.6	5.2	4.9	3.7
Unassigned		95	152 256	0.5	1.4	2.5	3.6	4.5
Other+		211	6 785 691	3.0	2.6	2.3	2.2	2.2

สถานการณ์ภาพรวมทั่วโลก

สัปดาห์ที่ 44 (30 ตุลาคม ถึง 5 พฤศจิกายน 2566)

- ▶ EG.5* 51.6% มีอัตราการพบเพิ่มขึ้น
- ▶ BA.2.86* 8.9% เพิ่มขึ้นอย่างสม่ำเสมอในรอบ 28 วัน
- ▶ XBB.1.9.1* 6.4% มีอัตราการพบลดลง



สถานการณ์สายพันธุ์โอมิครอนในประเทศไทย

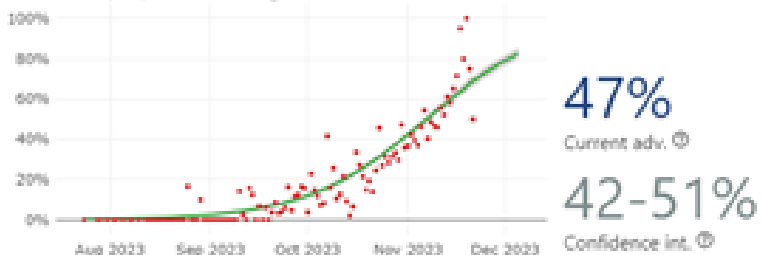
25 ตุลาคม – 21 พฤศจิกายน 2566 จำนวน 180 ราย

- ▶ EG.5* พบสัดส่วนมากที่สุด 23.5%
- ▶ XBB.1.9.2* (21.9%), XBB.1.16* (19.30%), XBB.1.9.1* และ XBB.2.3 (10.20%)

Relative growth advantage

If variants spread pre-dominantly by local transmission across demographic group... (show more)

Estimated proportion through time



(*) Assumes that the current advantage is due to an intrinsic viral advantage (a combination of increased transmission, immune escape, and prolonged infectious period).

Reference

Chen, Chaoran, et al. "Quantification of the spread of SARS-CoV-2 variant B.1.1.7 in Switzerland." *Epidemics* (2021): doi: 10.1016/j.epidem.2021.100480

JN.1 (BA.2.86.1.1) เป็นสายพันธุ์ย่อยของสายพันธุ์ BA.2.86 โดยที่มีการกลายพันธุ์บนส่วนหนามที่ต่างจาก BA.2.86 คือ **L455S** เพิ่มความสามารถหลบหลีกภูมิคุ้มกันอย่างมีนัยสำคัญ จากการวิเคราะห์ความได้เปรียบในการเติบโตทั่วโลก พบ JN.1 มีความได้เปรียบได้เปรียบสูงกว่า BA.2.86* คิดเป็น 47% (ข้อมูล ณ วันที่ 29 พฤศจิกายน 2566) ปัจจุบันประเทศไทยพบ JN.1 ทั้งหมด 2 ราย

กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ร่วมมือกับเครือข่ายห้องปฏิบัติการเฝ้าระวังการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์อย่างต่อเนื่องและเผยแพร่ผ่านฐานข้อมูลสากล GISAID อย่างสม่ำเสมอ ปัจจุบันไทยเผยแพร่จีโนมมีจำนวนสะสม 43,586 ราย นับตั้งแต่เริ่มสถานการณ์ระบาดโรคโควิด 19 ในประเทศไทย เดือนมกราคม 2563 ถึง พฤศจิกายน 2566