

สถานการณ์ สายพันธุ์เชื้อไวรัส SARS-CoV-2 ในประเทศไทย

ปัจจุบันองค์การอนามัยโลกยังคงให้ความสำคัญกับการติดตาม Omicron จำนวน 9 สายพันธุ์ จากจากพื้นฐานของข้อมูล การเพิ่มความชุกหรือความได้เปรียบด้านอัตราการเพิ่มขึ้นเมื่อเทียบกับสายพันธุ์อื่นๆ และการกลายพันธุ์ในตำแหน่งที่เกี่ยวข้องกับการ ได้เปรียบในการก่อโรค ได้แก่

- ▶ **สายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง** หรือ Variants of Interest (VOI) 5 สายพันธุ์ ได้แก่ XBB.1.5*, XBB.1.16*, EG.5*, BA.2.86* และ JN.1*
- ▶ **สายพันธุ์ที่ต้องจับตามอง** หรือ Variants under monitoring (VUM) จำนวน 4 สายพันธุ์ ได้แก่ JN.1.7*, KP.2*, KP.3* และ JN.1.18*

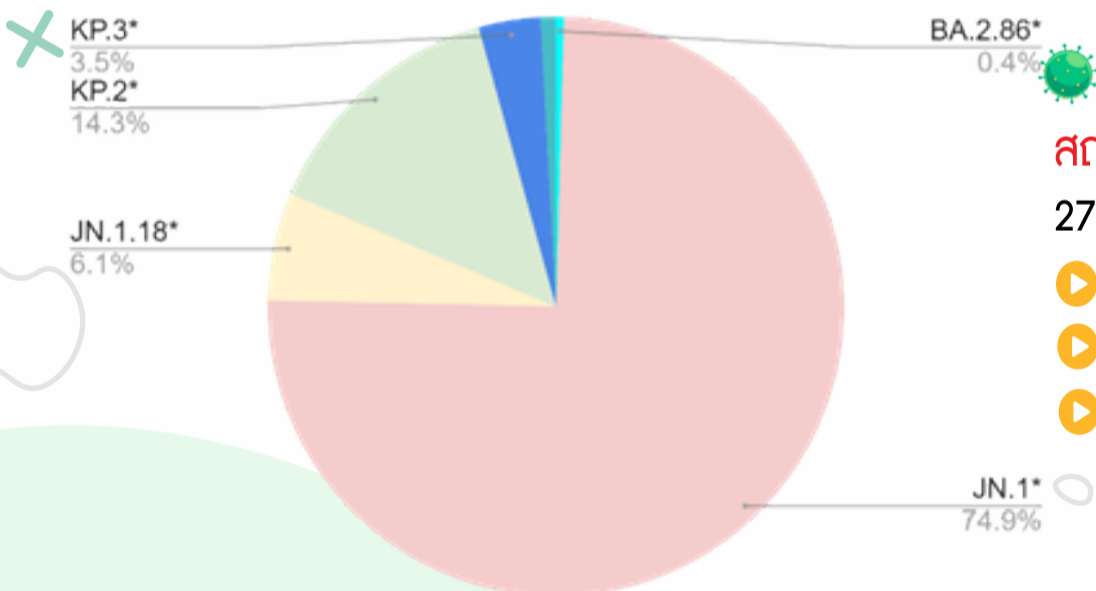
สถานการณ์ภาพรวมทั่วโลก

สัปดาห์ที่ 14-17 (1 ถึง 28 เมษายน 2567)

- ▶ JN.1* พบมากที่สุดในอัตราส่วน 54.3% มีอัตราการพบลดลงต่อเนื่อง
- ▶ KP.3* พบสัดส่วน 20%
- ▶ KP.2* พบสัดส่วน 9.6%
- ▶ KP.3* และ KP.2* มีอัตราการพบเพิ่มขึ้นต่อเนื่อง และถูกระบุให้เป็นสายพันธุ์ที่ต้องจับตามอง (VUM) เมื่อวันที่ 3 พฤษภาคม 2567

Table 4. Weekly prevalence of SARS-CoV-2 VOIs and VUMs, week 14 of 2024 to week 17 of 2024

| Lineage* | Countries§ | Sequences§ | 2024-14 | 2024-15 | 2024-16 | 2024-17 |
|-------------|------------|------------|---------|---------|---------|---------|
| VOIs | | | | | | |
| XBB.1.5 | 144 | 379340 | 0.1 | - | 0.1 | - |
| XBB.1.16 | 132 | 127947 | 0.1 | 0.1 | - | - |
| EG.5 | 112 | 219047 | 1.3 | 0.3 | 0.2 | - |
| BA.2.86 | 94 | 22737 | 0.8 | 0.4 | 0.4 | 0.5 |
| JN.1 | 130 | 189395 | 69.0 | 67.0 | 61.2 | 54.3 |
| VUMs | | | | | | |
| JN.1.7 | 58 | 5977 | 9.2 | 8.4 | 7.1 | 8.8 |
| KP.2 | 27 | 1670 | 6.4 | 9.6 | 13.4 | 9.6 |
| KP.3 | 20 | 830 | 3.5 | 5.9 | 11.2 | 20.0 |
| JN.1.18 | 61 | 2275 | 3.1 | 2.8 | 1.6 | 0.8 |
| Unassigned | 75 | 30077 | 0.1 | 0.1 | - | - |

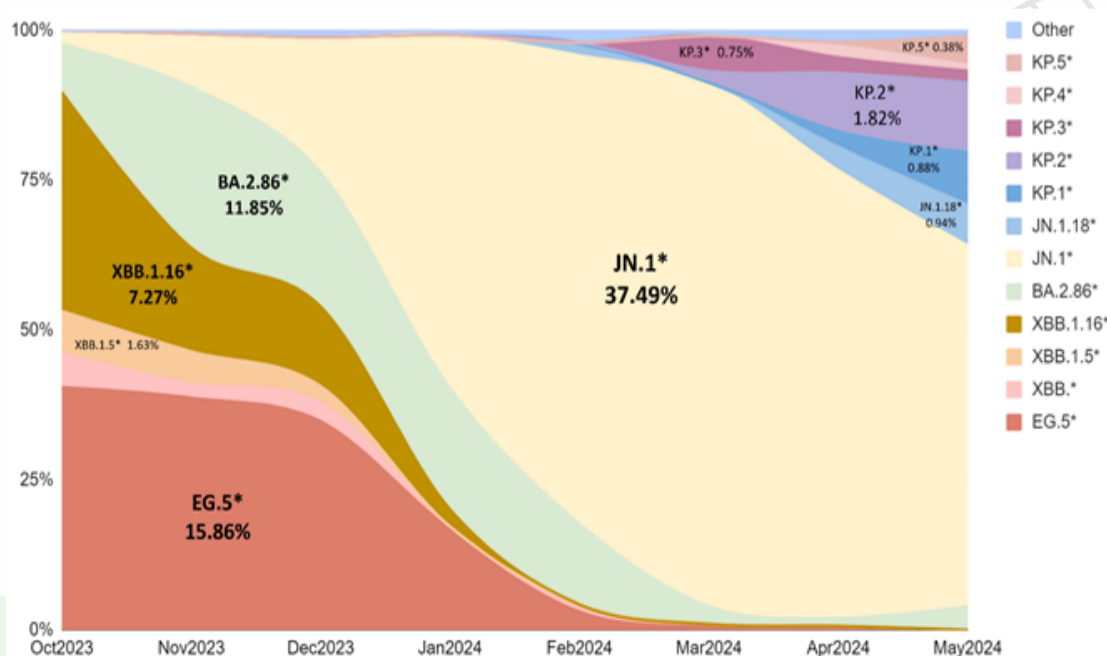


สถานการณ์สายพันธุ์โอไมครอนในประเทศไทย (รอบ 30 วัน)

27 เมษายน 2567 ถึง 23 พฤษภาคม 2567 จำนวน 231 ราย

- ▶ JN.1* พบสัดส่วนมากที่สุด 74.9%
- ▶ KP.2* (สายพันธุ์ย่อยของ JN.1.11.1*)(14.3%), KP.3* (3.5%)
- ▶ JN.1.18* (6.1%) และ BA.2.86* (0.4%),

▶ ประเทศไทยพบสายพันธุ์ JN.1* จำนวนทั้งหมด 598 ราย คิดเป็นสัดส่วนสะสม 37.49% ของสายพันธุ์ทั้งหมดที่พบในประเทศไทย นับตั้งแต่การพบครั้งแรกเมื่อเดือนตุลาคม 2566 ถึง ปัจจุบัน (อ้างอิงฐานข้อมูล GISAID)



กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ร่วมมือกับเครือข่ายห้องปฏิบัติการเฝ้าระวังการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์อย่างต่อเนื่องและเผยแพร่ผ่านฐานข้อมูลสากล GISAID อย่างสม่ำเสมอ ปัจจุบันไทยเผยแพร่จีโนมมีจำนวนสะสม 45,279 ราย นับตั้งแต่เริ่มสถานการณ์ระบาดโรคโควิด 19 ในประเทศไทย เดือนมกราคม 2563 ถึง 2 มิถุนายน 2567