

# ผลการศึกษาการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์ไข้หวัดใหญ่

## ด้วยวิธี Gene sequencing

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ได้สุ่มตัวอย่างเชื้อไข้หวัดใหญ่ที่แยกได้ในระบบเฝ้าระวังของกรมวิทยาศาสตร์การแพทย์และระบบบริการตรวจวิเคราะห์ทางห้องปฏิบัติการในเดือนมกราคม 2561 มาศึกษาการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์ ด้วยวิธี Gene sequencing พบว่าตัวแทนของเชื้อไข้หวัดใหญ่ที่แยกได้ เมื่อเปรียบเทียบกับสายพันธุ์วัคซีนมีสัดส่วนดังนี้

สายพันธุ์ที่แยกได้ในประเทศไทยในเดือนมกราคม 2561					
pdmA(H1N1)	ร้อยละ	A (H3N2)	ร้อยละ	B	ร้อยละ
A/Michigan/45/2015 (H1N1)pdm09	100	A/Singapore/ INFIMH-16- 0019/2016 (H3N2)	100	B/Phuket/3073/2013 (Yamagata lineage)	100

ส่วนสายพันธุ์วัคซีนป้องกันไข้หวัดใหญ่แบบ Trivalent ที่กระทรวงสาธารณสุขจัดให้กลุ่มเป้าหมายในปี 2560 เป็นวัคซีนที่ใช้สำหรับประเทศทางซีกโลกใต้ประกอบด้วยเชื้อ 3 สายพันธุ์ได้แก่

It is recommended that trivalent vaccines for use in the 2017 influenza season

(Southern hemisphere winter) contain the following:

- an A/Michigan/45/2015 (H1N1)pdm09- like virus;
- an A/Hong Kong/4801/2014 (H3N2)-like virus;
- a B/Brisbane/60/2008-like virus.

ส่วนวัคซีนที่องค์การอนามัยโลกประกาศใช้ในปี 2561 สำหรับประเทศทางซีกโลกใต้ ซึ่งสอดคล้องกับเชื้อที่ระบาดอยู่ในขณะนี้ จะนำเข้ามาจำหน่ายในประเทศไทยได้ราวเดือน เมษายน 2561

**It is recommended that trivalent vaccines for use in the 2018 influenza season(southern hemisphere winter) contain the following:**

- an A/Michigan/45/2015 (H1N1)pdm09- like virus;
- an A/Singapore/ INFIMH-16-0019/2016 (H3N2)-like virus; and
- a B/Phuket/3073/2013-like virus.

**It is recommended that quadrivalent vaccines containing two influenza B viruses contain the above three viruses and a B/Brisbane/60/2008-like virus.**

