

สถานการณ์สายพันธุ์เชื้อไวรัส SARS-CoV-2 ในประเทศไทย ประจำเดือน พฤศจิกายน 2568



สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข

กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ กระทรวงสาธารณสุข

อัตลักษณ์ สวส.

สามัคคี มีวินัย ซื่อสัตย์ รับผิดชอบ

องค์การอนามัยโลกยังคงให้ความสำคัญกับการติดตามเชื้อไวรัส SARS-CoV-2 กลุ่ม Omicron จำนวน 6 สายพันธุ์ จากข้อมูลความชุกและตำแหน่งการกลายพันธุ์ที่เป็นปัจจัยส่งผลต่อความสามารถในการแพร่เชื้อ ได้แก่

- ➔ **สายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง** หรือ Variants of Interest (VOI) จำนวน 1 สายพันธุ์ ได้แก่ JN.1*
- ➔ **สายพันธุ์ที่ต้องจับตามอง** หรือ Variants under monitoring (VUM) จำนวน 5 สายพันธุ์ ได้แก่ XFG* NB.1.8.1*, LP.8.1*, KP.3.1.1* และ XEC*

Variant	Variant type	5 Oct 2025	12 Oct 2025	19 Oct 2025	26 Oct 2025	2 Nov 2025
JN.1	VOI	6.35	5.93	5.92	6.12	5.1
KP.3.1.1	VUM	1.1	1.24	0.71	0.92	1.07
LP.8.1	VUM	1.2	1	0.5	0.8	0.45
NB.1.8.1	VUM	14.7	14.3	13.1	11.6	15.4
XEC	VUM	0.13	0.17	0.04	0.06	No data
XFG	VUM	71.3	72	73.4	74.1	70.5

Footnote: Variants presented in this table include the respective descendant lineages, except those individually specified elsewhere in the table.

สืบค้นข้อมูล ณ วันที่ 26 พฤศจิกายน 2568

สถานการณ์ภาพรวมทั่วโลก

ตั้งแต่วันที่ 5 ตุลาคม ถึง 2 พฤศจิกายน 2568

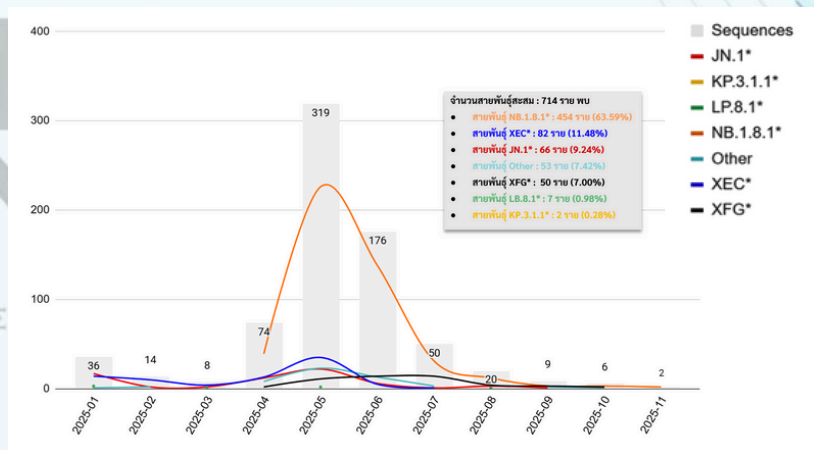
- ➔ NB.1.8.1* เป็นสายพันธุ์ที่มีแนวโน้มการแพร่ระบาด **เพิ่มขึ้น**
- ➔ ส่วนสายพันธุ์ JN.1*, KP.3.1.1*, LP.8.1*, XEC* และ XFG* มีแนวโน้มการแพร่ระบาด **ลดลง**

สถานการณ์สายพันธุ์โอไมครอนในประเทศไทย จากฐานข้อมูล GISAID

ตั้งแต่วันที่ 1 มกราคม 2568 – 27 พฤศจิกายน 2568

มีจำนวนสายพันธุ์สะสม 714 ราย พบ

- ➔ NB.1.8.1* : สายพันธุ์หลักที่มีการระบาดในประเทศไทย พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 454 ราย (63.59%)
- ➔ XEC* : พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 82 ราย (11.48%)
- ➔ JN.1* : พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 66 ราย (9.24%)
- ➔ XFG* : พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 50 ราย (7.00%)



หมายเหตุ : ฐานข้อมูล GISAID ณ วันที่ 27 พฤศจิกายน 2568

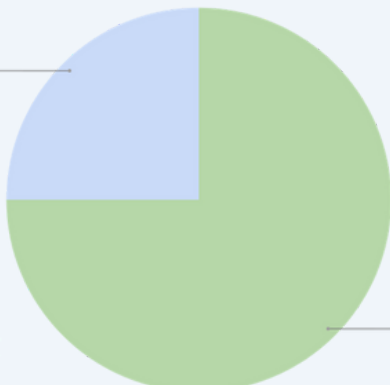
สถานการณ์สายพันธุ์โอไมครอนในประเทศไทย

ระหว่างวันที่ 23 ตุลาคม ถึง 22 พฤศจิกายน 2568

จำนวน 4 ราย พบ

- ➔ สายพันธุ์ NB.1.8.1* จำนวน 3 ราย คิดเป็นสัดส่วนร้อยละ 75
- ➔ สายพันธุ์ XFG* จำนวน 1 ราย คิดเป็นสัดส่วนร้อยละ 25

XFG*
25.0%



NB.1.8.1*
75.0%

หมายเหตุ : ข้อมูลการจับกลุ่มสายพันธุ์อ้างอิงจากผลการวิเคราะห์ด้วยระบบ NEXTCLADE ณ วันที่วิเคราะห์ 25 พฤศจิกายน 2568

กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ร่วมมือกับเครือข่ายห้องปฏิบัติการเฝ้าระวังการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์อย่างต่อเนื่อง และการเผยแพร่ผ่านฐานข้อมูลสากล GISAID อย่างสม่ำเสมอ ปัจจุบันไทยเผยแพร่จีโนมสะสม 48,913 ราย นับตั้งแต่เริ่มสถานการณ์ระบาดโควิด 19 ในประเทศไทย เดือน มกราคม 2563 ถึง 15 ธันวาคม 2568

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข

<http://nih.moph.go.th>

thainih@dmisc.mail.go.th

0 2951 0000

@thailandnih

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข Thainih

