

สถานการณ์เชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ในประเทศไทย ประจำเดือน พฤศจิกายน 2568

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข

กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ กระทรวงสาธารณสุข

อัตลักษณ์ สวส.

สามัคคี มีวินัย ซื่อสัตย์ รับผิดชอบ

สถานการณ์ในประเทศไทย

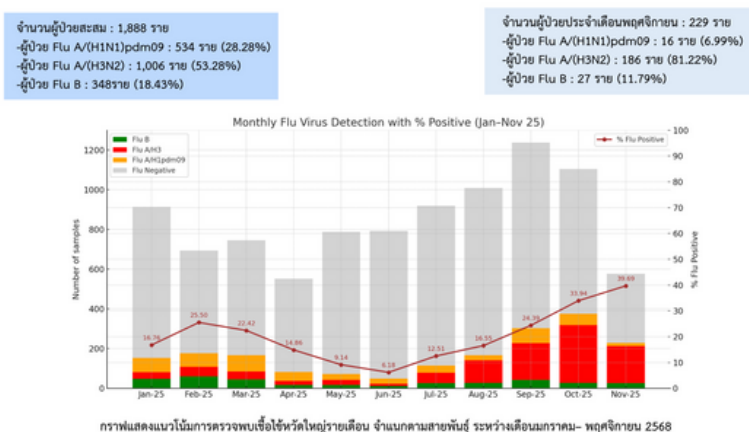
ประเทศไทยมีการเฝ้าระวังเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่โดยเก็บตัวอย่างจากผู้ป่วย ระหว่างเดือนมกราคม - พฤศจิกายน 2568 รวมทั้งสิ้น 9,333 ราย ผลตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่ 1,888 ราย คิดเป็นร้อยละ 20.22 โดยแยกเป็นชนิด

- A(H1N1)pdm09 จำนวน 534 ราย (ร้อยละ 28.28)
- A(H3N2) จำนวน 1,006 ราย (ร้อยละ 53.28)
- B/Victoria lineage จำนวน 348 ราย (ร้อยละ 18.43)

เฉพาะในเดือนพฤศจิกายน 2568 มีตัวอย่างผู้ป่วยจำนวน 577 ราย ผลตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่ 229 ราย คิดเป็นร้อยละ 39.69 โดยแยกเป็นชนิด

- A(H1N1)pdm09 จำนวน 16 ราย (ร้อยละ 6.99)
- A(H3N2) จำนวน 186 ราย (ร้อยละ 81.22)
- B/Victoria lineage จำนวน 27 ราย (ร้อยละ 11.79)

กราฟแสดงแนวโน้มการตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่รายเดือน จำแนกตามสายพันธุ์ ระหว่างเดือนมกราคม - พฤศจิกายน 2568



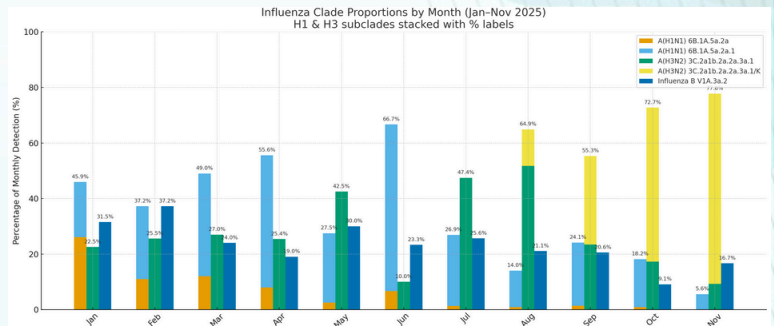
จากกราฟแนวโน้มพบว่า สัดส่วนการตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่เพิ่มสูงขึ้นอย่างต่อเนื่อง โดยในเดือนกันยายนมีค่า % Flu Positive อยู่ที่ ร้อยละ 27.40 และเพิ่มเป็น ร้อยละ 29.93 ในเดือนตุลาคม ก่อนจะสูงขึ้นถึง ร้อยละ 36.69 ในเดือนพฤศจิกายน ซึ่งเป็นค่าที่สูงที่สุดของปี สะท้อนถึงการ ระบาดในช่วงปลายฝนต้นหนาว และสอดคล้องกับรูปแบบการระบาดที่พบในปีก่อน ๆ

การเปรียบเทียบสายพันธุ์วัคซีนซิกโลกิตกับสายพันธุ์ที่พบในไทย

เมื่อเปรียบเทียบข้อมูลสายพันธุ์ไวรัสไข้หวัดใหญ่ ที่พบในประเทศไทยกับสายพันธุ์วัคซีนซิกโลกิตปี 2568 และ 2569 พบว่า:

- A(H1N1)pdm09: สายพันธุ์ย่อย D.3.1 เป็นสายพันธุ์หลัก (76.4%) และสอดคล้องกับสายพันธุ์วัคซีนซิกโลกิตปี 2569
- A(H3N2): พบความหลากหลายที่สุด โดยพบสายพันธุ์ย่อย K สูงที่สุด (34.7%) รองลงมาคือ J.2 (32.9%) แต่ทั้งหมดอยู่ในกลุ่มสายพันธุ์หลักเดียวกับวัคซีน (3C.2a1b.2a.2a.3a.1)
- B/Victoria: สายพันธุ์ย่อย C.5.7 และ C.5.6 ยังคงอยู่ในกลุ่มเดียวกับสายพันธุ์วัคซีน

กราฟแสดงสัดส่วนสายพันธุ์กลุ่ม (clade) ของเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ ที่ตรวจพบรายเดือนระหว่างเดือนมกราคม - พฤศจิกายน 2568



1. A(H1N1)pdm09 : ตรวจพบ 2 กลุ่มหลัก ได้แก่

- 6B.1A.5a.2a
- 6B.1A.5a.2a.1: เริ่มเพิ่มขึ้นตั้งแต่ ม.ค. และกลายเป็นกลุ่มหลักตั้งแต่เดือนเมษายนเป็นต้นมา ซึ่งสอดคล้องกับสถานการณ์การระบาดจากทั่วโลก

2. A(H3N2): เริ่มตรวจพบสายพันธุ์ย่อยในกลุ่ม K เพิ่มขึ้นตั้งแต่เดือนสิงหาคม และมีแนวโน้มเพิ่มขึ้นต่อเนื่อง

3. B/Victoria lineage : ตรวจพบเพียงสายพันธุ์เดียว คือ V1A.3a.2

ผลการวิเคราะห์การกลายพันธุ์ของยีน Neuraminidase (NA)

BLIC AND POLICY

จากการเฝ้าระวังการกลายพันธุ์ของเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ ตั้งแต่เดือนมกราคมถึงพฤศจิกายน 2568 ไม่พบการกลายพันธุ์ในเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H1N1)pdm09 ที่ตำแหน่ง H275Y ซึ่งเป็นตำแหน่งที่เกี่ยวข้องกับการดื้อยาโอเซลทามิเวียร์ และไม่พบการกลายพันธุ์ที่บ่งชี้ถึง การดื้อยาที่ตำแหน่งอื่นทั้งในเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H1N1)pdm09, A(H3N2) และ B/Victoria lineage

ทั้งนี้ตัวอย่างที่ทำการตรวจวิเคราะห์ ในเดือนพฤศจิกายน 2568 จำนวน 107 ตัวอย่าง ไม่พบยีนที่บ่งชี้ถึง การดื้อยาต้านไวรัสแต่อย่างใด แสดงให้เห็นว่า สถานการณ์การดื้อยายังคงอยู่ในระดับที่สามารถควบคุมได้

